

Table S1: Ratio of phospho / total protein values (RPPA) in comparison to untreated cells

		4E-BP1_pS65-R-V_GBL9033952	4E-BP1_pT37_T46-R-V_GBL9033953	ACC_pS79-R-V_GBL9033954	Akt_pS473-R-V_GBL9033956	Akt_pT308-R-V_GBL9034077	AMPK_pT172-R-V_GBL9034503	c-Met_pY1235-R-V_GBL9034016	C-Raf_pS338-R-V_GBL9033973	Chk1_pS345-R-C_GBL9034038	Chk2_pT68-R-C_GBL9033970	EGFR_pY1173-R-V_GBL9033976	ER-alpha_pS118-R-V_GBL9033977	FOXO3a_pS318_S321-R-C_GBL9034506	GSK3-alpha-beta_pS21_S9-R-V_GBL9033980	GSK3_pS9-R-V_GBL9034057	HER2_pY1248-R-C_GBL9034054	HER3_pY1289-R-C_GBL9034017	JNK_pT183_pY185-R-V_GBL9034034	MEK1_pS217_S221-R-V_GBL9034055	mTOR_pS2448-R-C_GBL9033987	p27_pT157-R-C_GBL9034031	p27_pT198-R-V_GBL9034033	p38_pT180_Y182-R-V_GBL9033991	p70S6K_pT389-R-V_GBL9033994	p90RSK_pT359_S363-R-C_GBL9034022	PKD1_pS241-R-V_GBL9033997	PEA15_pS116-R-V_GBL9034048	PKC-alpha_pS657-R-C_GBL9033999	Rb_pS807_S811-R-V_GBL9034001	Rictor_pT1135-R-V_GBL9034071	Src_pY416-R-C_GBL9034006	Src_pY527-R-V_GBL9034007	Tuberin_pT1462-R-V_GBL9034011	YAP_pS127-R-E_GBL9034520	YB-1_pS102-R-V_GBL9034030
HepT1	Ap20	0.81	1.19	1.23	1.39	1.28	1.19	1.05	1.06	1.10	1.05	1.03	0.90	1.01	1.23	1.16	1.04	1.16	0.98	0.95	1.10	1.05	1.02	1.33	0.62	1.00	1.01	1.19	0.97	0.72	0.80	1.03	1.10	1.29	0.72	1.29
	Ap40	0.68	1.34	1.43	0.97	1.56	1.17	1.01	1.09	1.32	1.09	1.00	0.92	0.99	1.72	1.33	1.04	1.29	1.11	0.87	1.07	0.93	0.98	1.79	0.58	0.79	1.06	1.19	0.78	0.54	0.74	0.92	0.93	1.32	1.35	1.58
	SP	1.04	1.01	0.86	1.16	0.97	1.03	1.00	0.97	1.09	1.03	1.02	0.94	1.05	1.11	1.13	1.03	0.97	1.01	0.93	0.90	0.99	0.99	1.04	0.95	1.02	1.02	1.03	0.97	1.04	1.01	1.09	1.10	1.08	0.84	0.95
HepG2	Ap20	1.03	1.40	1.28	0.99	1.07	1.05	0.93	1.07	1.18	1.05	1.01	0.99	1.01	1.02	1.12	0.96	1.12	0.97	1.00	1.06	0.99	1.05	1.38	1.02	1.19	1.01	1.04	1.01	0.77	0.93	1.09	0.91	1.07	1.00	1.72
	Ap40	0.88	1.16	1.91	0.96	1.14	0.96	1.02	1.00	1.39	1.16	1.07	0.99	1.01	1.02	1.20	0.90	1.18	0.96	0.97	1.13	0.91	1.02	1.69	0.84	1.03	1.05	1.03	1.03	0.58	0.75	1.12	1.01	1.16	0.94	1.84
	SP	0.97	1.03	1.10	0.91	0.94	0.96	0.96	1.02	1.01	1.01	0.97	0.88	0.98	0.97	1.08	1.02	1.24	1.01	0.99	1.21	1.02	1.05	1.00	1.01	0.96	0.97	1.07	1.00	0.91	0.89	0.96	0.95	1.08	0.95	0.96
HUH6	Ap20	0.87	1.21	1.64	1.13	1.22	1.31	1.08	0.84	1.17	1.07	1.09	1.18	0.93	1.06	1.08	0.98	1.15	0.95	0.84	0.96	0.98	1.00	1.32	0.89	1.00	1.04	1.02	0.98	0.99	1.09	1.30	1.17	1.30	0.92	1.01
	Ap40	0.71	1.02	1.70	1.43	1.66	1.41	1.08	0.99	1.21	1.15	1.08	0.98	1.13	1.41	1.36	1.07	1.35	1.17	0.90	1.01	1.05	0.98	1.76	0.91	0.84	1.08	0.93	0.99	0.84	1.03	1.43	0.90	1.45	1.07	0.96
	SP	1.03	1.01	1.08	0.96	0.99	1.23	1.04	1.00	0.99	1.10	1.11	0.98	1.04	1.06	1.10	0.94	1.00	1.05	0.95	0.95	1.01	1.03	1.05	1.01	0.94	1.06	1.02	1.01	1.09	1.03	0.95	1.02	1.05	0.97	0.86